

Евгения Игоревна Бондарь

Множественные вторичные контакты и историческая гибридизация между ледниковыми линиями гольцов рода *Salvelinus* в северо-восточной Азии

Арктические районы Северо-Востока Азии представляют собой области вторичного контакта ледниковых филогенетических линий гольцов рода *Salvelinus* (Salmoniformes: Salmonidae). Однако послеледниковое распространение гольцов по арктическим регионам плохо изучено, поскольку знания о популяциях Чукотки и соседних территорий остаются ограниченными и нет четкого понимания какие виды гольцов населяют значительные районы Чукотки. Мы исследовали принадлежность озерных гольцов Чукотки к: (1) арктической линии гольца Таранца (*Salvelinus taranetzi*); (2) беринговой линии северной мальмы (*Salvelinus malma malma*); и (3) сибирской и атлантической линии арктического гольца (*Salvelinus alpinus*). Мы проанализировали изменчивость последовательности контрольного региона митохондриальной ДНК (мтДНК CR; 960 пар оснований) и генотипировали семь микросателлитных локусов ядерной ДНК гольцов, собранных в 13 локальностях. Мы обнаружили различные последствия вторичного контакта: (1) полную фиксацию интрогрессированной мтДНК (митохондриальный захват); и (2) сохранение нескольких линий мтДНК при отсутствии современного потока генов в жилых популяциях гольцов. Объединив закономерности распространения, топологию филогенетической сети и знание истории оледенения региона, мы предлагаем две зоны вторичного контакта ледниковых линий Чукотки – Колимо-Чукотскую систему рек и реку Палео-Амгуэма – откуда происходят гольцы с интрогрессивными геномами распространились по территории.